

2429

⑩ 日本国特許庁(JP)

⑪ 特許出願公開

⑫ 公開特許公報(A)

昭63-317079

⑬ Int. Cl.
C 12 N 9/02
C 12 N 15/00
(C 12 N 9/02
C 12 R 1:865)

識別記号 庁内整理番号
7823-4B
A-8412-4B

⑭ 公開 昭和63年(1988)12月26日

審査請求 未請求 発明の数 1 (全1頁)

⑮ 発明の名称 ルシフェラーゼの製造法

⑯ 特 願 昭62-151063

⑰ 出 願 昭62(1987)6月19日

⑱ 発 明 者	増 田 力	千葉県柏市明原2-9-16
⑱ 発 明 者	辰 巳 宏 樹	千葉県野田市宮崎101-2
⑱ 発 明 者	中 嶋 康 彦	千葉県野田市清水1071-89
⑱ 発 明 者	松 山 旭	千葉県野田市柳沢65-1
⑱ 発 明 者	中 野 衛 一	埼玉県岩槻市木曾良2-86
⑲ 出 願 人	キッコーマン株式会社	千葉県野田市野田339番地
⑳ 代 理 人	弁理士 平木 祐輔	

明 細 書

1. 発明の名称

ルシフェラーゼの製造法

2. 特許請求の範囲

- (1) ルシフェラーゼをコードする遺伝子をプラスミドベクターDNAに挿入した組み換え体プラスミドDNAを含み、ルシフェラーゼ生産能を有するサッカロマイセス属に属する微生物を、培地に培養し、培養物よりルシフェラーゼを採取することを特徴とするルシフェラーゼの製造法。
- (2) ルシフェラーゼをコードする遺伝子が、フォティナス・ピラリス由来のDNAである特許請求の範囲第1項記載のルシフェラーゼの製造法。
- (3) プラスミドベクターDNAが、プラスミドAAH5 DNAである特許請求の範囲第1項記載のルシフェラーゼの製造法。
- (4) サッカロマイセス属の微生物が、サッカロマイセス・セレビシエである特許請求の範囲第1項記載のルシフェラーゼの製造法。

3. 発明の詳細な説明

〔産業上の利用分野〕

本発明は、ルシフェラーゼの製造法に関し、さらに詳しくは、形質転換したサッカロマイセス属に属する微生物を使用したルシフェラーゼの製造法に関する。

〔従来の技術〕

従来、ホタルの1種であるフォティナス・ピラリス(*Photinus pyralis*)由来のルシフェラーゼは、例えば、微生物を用いて該ルシフェラーゼを製造する場合、プラスミドpKJB824.17 DNAに、フォティナス・ピラリスのc-DNAを組み込んで得られた組み換え体プラスミドpKW101 DNAを用いて大腸菌(*E. coli*) TB1を形質転換して得られた形質転換株、すなわち、大腸菌(*E. coli*) TB1(pKW101)を培養して得られているに過ぎない〔ブ洛克・ナトル・アカド・サイ.(*Proc. Natl. Acad. Sci.*), 第82巻、第7870~7873頁、(1985)〕。

上記ルシフェラーゼは、例えば、ATPの定量用酵素として極めて有用な酵素である。

(発明が解決しようとする問題点)

本発明は、上記ルシフェラーゼを、形質転換したサッカロマイセス属に属する微生物により製造する新規なルシフェラーゼの製造法を提供することを目的とする。

(問題点を解決するための手段)

本発明者等は上記目的を達成するため、フォティナス・ピラリス由来のルシフェラーゼを上記の大腸菌とは別に酵母サッカロマイセス・セレビシエ(*Saccharomyces cerevisiae*)を宿主菌として用い、該ルシフェラーゼを発現すべく種々検討した結果、該ルシフェラーゼをサッカロマイセス・セレビシエの菌体中において効率良く発現させることに成功し、本発明を完成した。

すなわち本発明は、ルシフェラーゼをコードする遺伝子をプラスミドベクターDNAに挿入した組み換え体プラスミドDNAを含み、ルシフェラーゼ生産能を有するサッカロマイセス属に属する微生物を、培地に培養し、培養物よりルシフェラーゼを採取することの特徴とするルシフェラーゼ

の製造法である。

以下、本発明を詳細に説明する。

先ず、ルシフェラーゼをコードする遺伝子の由来は、如何なるものでもよく、例えば、ホタルの1種であるフォティナス・ピラリス等が挙げられ、殊に、該ホタルの尾部が好ましい。

そして、上記ホタルの尾部よりm-RNAを調製するには、例えば、モレキュラー・クローニング(Molecular Cloning)、第196頁、コールド・スプリング・ハーバー・ラボラトリー(Cold Spring Harbor Laboratory)(1982)及び分子遺伝学実験法、小関治男、志村令郎、第66~67頁(1983)記載の方法等により得ることができる。

得られたm-RNAよりルシフェラーゼをコードするm-RNAを濃縮するには、例えば、バイオメディカル・リサーチ(Biomedical Research)、第3巻、第534~540頁(1982)記載の方法により行なうことができる。

なお、この際、ルシフェラーゼに対する抗ルシフェラーゼ血清を使用するのであるが、該血清は、

例えば、免疫化学、山村雄一、第43~50頁(1973)記載の方法により得ることができる。

ルシフェラーゼをコードするm-RNAよりc-DNAを合成するには、例えば、モルセル・バイオル(Mol. Cell Biol.)、第2巻、第161頁(1982)及びジーン(Gene)、第25巻、第263頁(1983)記載の方法により行なうことができる。

次いで、このようにして得られたc-DNAをベクターDNA、例えば、プラスミドpMCB10 DNA、[プラスミドpKN305 (アグル・バイオム・ケム(Agr. Biol. Chem.)、第50巻、第271頁(1986)記載の大腸菌トリプトファンオペロンのプロモーターを有するプラスミド)及びプラスミドpMC1843 (メソズ・イン・エンザイモロジー(Methods in Enzymology)、第100巻、第293~308頁(1983)記載の大腸菌 β -ガラクトシダーゼ構造遺伝子を有するプラスミド)を用いて作製したプラスミド]等に組み込み、種々の組み換え体プラスミドDNAを得、該DNAを用いて例えば、大腸菌(*E. coli*) DH1 (ATCC 33849)、大腸菌(*E. coli*) HB101

(ATCC 33694)等をコーエン(Cohen)等の方法[ジェイ・バクテリオル(J. Bacteriol.)、第119巻、第1072~1074頁(1974)]により形質転換し、種々の形質転換株を得る。

なお、このようにして得られた形質転換株の有する組み換え体プラスミドDNAは、大腸菌 β -ガラクトシダーゼ構造遺伝子の途中にc-DNAが組み込まれたプラスミドであって、c-DNAによりコードされているペプチドは、 β -ガラクトシダーゼと融合した蛋白質として発現するものである。

上記の種々な形質転換株よりルシフェラーゼをコードするc-DNAを検出するには、形質転換株を培養することにより、菌体蛋白質を発現させ、抗ルシフェラーゼ血清と交差する蛋白質が存在するか否かにより検出することができ、例えば、アグリック・バイオル・ケム(Agric. Biol. Chem.)、第50巻、第271頁(1986)及びアナール・バイオケム(Anal. Biochem.)、第112巻、第195頁(1981)記載の方法等により行なうことができる。

次いで、不完全なルシフェラーゼのc-DNAを³²Pを用いニックトランスレーション法【モレキュラー・クローニング(Molecular Cloning)、第109～112頁、コールド・スプリング・ハーバー・ラボラトリー(Cold Spring Harbor Laboratory)、(1982)及びジェイ・モル・バイオ(J.Mol.Biol)、第113巻、第237～251頁(1977)によりラベルしたのち、該c-DNAをプローブとしてコロニーハイブリダイゼーション法【蛋白質、核酸、酵素、第26巻、第575～579頁(1981)】によりプラスミドpUC19 DNAをベクターとして作成したc-DNAのジーンバンクのライブラリーより1.8 K bのルシフェラーゼをコードするc-DNAを含むプラスミドDNAを得ることができる。

このようにして得たルシフェラーゼをコードするc-DNA含有プラスミドDNAを、制限酵素、例えばBamH I及びXba Iを温度30～40℃、好ましくは、37℃で1～24時間、好ましくは2時間作用させて、該プラスミドを切断したものに、翻訳開始部位を含むDNA断片(例えば、ATC含有

DNA等)及びT4 DNAリガーゼ(宝酒造・社・製)等のDNAリガーゼを添加して常法により連結させて、組み換え体プラスミドDNAを得る。

次いで、該プラスミドに、例えば、Hind IIIを常法により作用させて、ルシフェラーゼをコードするc-DNAを含むプラスミドDNAを得、該DNAを、プラスミドベクターDNAに組み込み、組み換え体プラスミドDNAを得る。

上記プラスミドベクターDNAとしては如何なものでもよく、例えば、プラスミドAAH5 DNA(ワシントン・リサーチ・ファウンデーションより入手)等が挙げられる。

そして、このようにして得られた組み換え体プラスミドを用いて、サッカロマイセス(Saccharomyces)属の酵母、例えば、サッカロマイセス・セレビシエSHY1(ATCC 44769)等を、ベッグス(Beggs)の方法(ネーチャー(Nature)、第275巻、第104～109頁(1978))により形質転換してルシフェラーゼをコードする遺伝子をプラスミドベクターDNAに挿入した組み換え体プラスミド

DNAを含むルシフェラーゼ生産能を有するサッカロマイセス属に属する微生物を得る。

次いで、上記微生物を培地に培養し、培養物よりルシフェラーゼを採取するのである。

培地としては、例えば、サッカロマイセス属に属する微生物の培養に用いられるものであれば、如何なるものでもよく、例えば、グルコース、ポリペプトン、酵母エキスカらなるYPD培地が挙げられる。

また、培養温度は、例えば、25～35℃、好ましくは30℃程度で、培養時間は、例えば、4～8時間、好ましくは6時間程度である。

そして、培養物より菌体を例えば、12,000r.p.m.で2分間程度の遠心分離処理により集菌し、得られた菌体を、例えば、ガラスビーズと共に、ボルテックスミキサーにより3分間程度攪拌して破砕し、粗酵素液を得る。

そして、粗酵素液は、そのままでも使用可能であるが、必要により緩衝成分、イオン交換クロマトグラフ法、例えば、DEAE-バイオゲルA等、

ゲル濾過法、例えば、ウルトログエルAcA34等により精製して、純化されたルシフェラーゼを得る。

このようにして得られたルシフェラーゼの理化学的性質は、モレキュラー・アンド・セルラー・バイオロジー(Molecular and Cellular Biology)、第7巻、第725～737頁(1987)に記載されたものと全く同様である。

【発明の効果】

本発明によれば、形質転換したサッカロマイセス属に属する微生物を使用して、ルシフェラーゼを効率よく製造することができるので、本発明は産業上極めて有用である。

以下、本発明を実施例を挙げて更に詳細に説明する。

実施例

1. m-RNAの調製

ホタルの1種であるフォティナス・ピラリス(Photinus pyralis)の乾燥尾節(シグマ・社・製)1gを乳鉢及び乳棒を用いて充分破砕したものに、溶解緩衝液5ml(20mMトリス-塩酸緩衝液(pH7.4))

10mM NaCl / 3 mM 酢酸マグネシウム / 5 % (W/V) シュ糖 / 1.2 % (V/V) トリトン X-100 / 10mM パナジルスクロシド錯体 (ニューイングランド バイオラボ・社・製) を添加し、更に、上記と同様に炭吸してフェティナス・ピラリス尾部炭粉含有溶液を得た。

このようにして得た溶液 5 ml を、カップ型ブレンダー (日本精機製作所・社・製) に入れ、5,000 r.p.m. で 5 分間処理したものに、12 ml のグアニジンイソシアシアネート溶液 (6 M グアニジンイソシアシアネート / 37.5 mM クエン酸ナトリウム (pH 7.0) / 0.75 % (W/V) N-ラウロイルザルコシナトリウム / 0.15 M β -メルカプトエタノール) を添加し、更に、上記ブレンダーを用い 3,000 r.p.m. で 10 分間処理して得た溶液を、3 重のガーゼを用いて濾過し、濾液を得、超遠心分離機用チューブ (日立工機・社・製) 4 本に、予め 1.2 ml の 5.7 M の塩化セシウム溶液を夫々重層し、その上に、上記濾液を重層するように夫々分注し、超遠心分離機 (日立工機・社・製、SCP55H) を用いて

温度 15℃、30,000 r.p.m. で 16 時間遠心分離して沈殿物を得た。

得られた沈殿物を、冷 70 % (V/V) エタノールを用いて洗浄したものを、10 mM トリス緩衝液 (10 mM トリス-塩酸緩衝液 (pH 7.4) / 5 mM EDTA / 1 % デシル硫酸ナトリウム) 4 ml に懸濁したものに、同量の n-ブタノール及びクロロフォルムを 4 対 1 (容量比) となる如く混合したものを添加して抽出し、常法により 3,000 r.p.m. で 10 分間遠心分離し、水層及び有機溶媒層に分離し、この有機溶媒層に上記 10 mM トリス緩衝液 4 ml を添加し、上記抽出及び分離操作を行なう操作を 2 回繰り返して得られた水層に、1/10 量の 3 M 酢酸ナトリウム (pH 5.2) 及び 2 倍量の冷エタノールを添加したものを温度 -20℃ で 2 時間放置したのち、常法により 8,000 r.p.m. で 20 分間遠心分離し、RNA を沈澱させ、得られた RNA を 4 ml の水に溶解し、上記エタノール沈澱操作を行なったのち、得られた RNA を 1 ml の水に溶解し、3.75 ml の RNA を得た。

そして、以上の操作を再度繰り返すことにより合計 7 ml の RNA を調製し、この RNA 中より m-RNA を選択するために、7 ml の RNA を、オリゴ(dT)-セルロース (ニューイングランド バイオラボ・社・製) カラムクロマトグラムにかけた。

カラムとして 2.5 ml テルモシリジ (テルモ・社・製) を用い、樹脂 0.5 g は、溶出緩衝液 (10 mM トリス-塩酸緩衝液 (pH 7.6) / 1 mM EDTA / 0.1 % (W/V) デシル硫酸ナトリウム) で膨潤させたのち、カラムに充填し、結合緩衝液 (10 mM トリス-塩酸 (pH 7.6) / 1 mM EDTA / 0.4 M NaCl / 0.1 % デシル硫酸ナトリウム) で平衡化したものである。

7 ml の RNA に、同量の緩衝液 (10 mM トリス-塩酸 (pH 7.6) / 1 mM EDTA / 0.8 M NaCl / 0.1 % デシル硫酸ナトリウム) を添加し、温度 65℃ で 10 分間加熱処理し、水中で急冷したのち、オリゴ(dT)-セルロースカラムにかけたのち、結合緩衝液で樹脂を洗浄し、未結合の r-RNA 及び

t-RNA を完全に洗浄し、更に、溶出緩衝液で m-RNA を溶出し、40 μ g の m-RNA を得た。

2. ルシフェラーゼ m-RNA の濃縮

次に、シュ糖密度勾配遠心分離法によりルシフェラーゼ m-RNA を濃縮した。

10~25 % (W/V) のシュ糖密度勾配は、ベックマン・社・製のローター SW41 用ポリアロマトチューブに 40 % (W/V) シュ糖液 (50 mM トリス-塩酸 (pH 7.5) / 20 mM NaCl / 1 mM EDTA / 40 % (W/V) シュ糖) 0.5 ml を入れ、その上に 2.4 ml ずつ 25 % (W/V)、20 % (W/V)、15 % (W/V) 及び 10 % (W/V) のシュ糖液を重層し、温度 4℃ で 24 時間放置することにより作製した。このシュ糖密度勾配に、m-RNA 30 μ g を重層し、ベックマン・社・製の SW41 ローターを用い、常法により 30,000 r.p.m.、温度 18℃ で 18 時間遠心分離を行なった。遠心分離操作ののち、0.5 ml ずつ分画し、エタノール沈澱法により m-RNA を回収し、10 μ l の水に溶解した。

次に、m-RNA にコードされている蛋白質を

調べることにより、ルシフェラーゼのm-RNAが濃縮されている画分の同定を行なった。分離したRNA 1 μ g、ウサギ網状赤血球ライセート (アマシヤム・社・製) 9 μ g 及び (TBS) メチオニン 1 μ g (アマシヤム・社・製) を混合し、温度30℃で30分間反応させたものに、150 μ g のNET緩衝液 (150mM NaCl / 5mM EDTA / 0.02% (W/V) Na₂S₂O₄ / 20mM トリス-塩酸緩衝液 (pH 7.4) / 0.05% (W/V) ノニデット P-40 (ベセスグリサーチラボラトリー・社・製、界面活性剤)) を添加し、更に、1 μ g の抗ルシフェラーゼ血清 (後述のようにして調製したもの。) を添加し、温度4℃で18時間放置したものに、10mg のプロテインAセファロース (ファルマシア・社・製) を添加し、温度20℃で30分間放置したものを、常法により12,000r.p.m. で1分間遠心分離処理し、樹脂を回収した。

回収した樹脂を、200 μ g のNET緩衝液で3回洗浄し、この樹脂に、40 μ g のSDS-PAGE用サンプル緩衝液 (62.5mM トリス-塩酸緩衝液

(pH 6.8) / 10% (V/V) グリセロール / 2% (W/V) フォスホリル硫酸ナトリウム / 5% (V/V) メルカプトエタノール / 0.02% (W/V) ブロムフェノールブルー) を添加し、温度100℃で3分間煮沸し、常法により12,000r.p.m. で1分間遠心分離処理し、上清を回収し、全量を7.5% (W/V) フォスホリル硫酸ナトリウム-ポリアクリルアミドゲルに乗せた。

ゲル電気泳動は、ラエムリ (Laemmli) の方法 (ネーチュア (Nature)、第227頁、第680頁 (1970)) で行ない、泳動したのちのゲルは、10% (V/V) の酢酸に30分間浸漬し、蛋白質を固定したのち、水に30分間浸漬し、更に、1M サリチル酸ナトリウム溶液に30分間浸漬し、乾燥して乾燥ゲルを得、X線フィルム (フジ写真フィルム・社・製、RX) を用いてフルオログラフィーを行なった。

以上の操作により、ルシフェラーゼm-RNAの存在する画分のRNAを用いた場合にのみ、ルシフェラーゼ蛋白質のバンドがX線フィルム上に認められ、ルシフェラーゼm-RNAの濃縮されている画分が同定できた。

3. 抗血清の調製

精製ルシフェラーゼに対するウサギの抗ルシフェラーゼ血清は、以下の方法により調製した。

3.2 mg / ml 濃度のルシフェラーゼ溶液 (シグマ・社・製ルシフェラーゼを0.5 M グリシリン溶液 (pH 7.8) に溶解したもの) 0.7 ml を、等量のフレンド (Freund) 完全アジュバントで懸濁したもの2.24 mg を、抗原として体重2kgの日本白色種ウサギの指掌部に投与し、飼育2週間経過したのち、初回と同量の抗原を背部皮内へ投与し、更に、飼育1週間経過したのち、同様の操作を行ない、また更に、飼育1週間後全採血を行なった。

そして、得られた血液を、温度4℃で18時間放置したものを、常法により3,000r.p.m. で15分間遠心分離し、上清として抗ルシフェラーゼ血清を得た。

4. c-DNA の合成

c-DNA の合成は、アマシヤム・社・製キットを用いて行なったものである。

上述の如くして得られたm-RNA 2 μ g を用

いてアマシヤム社の指示するモル・セル・バイオル (Mol. Cell Biol.)、第2巻、第161頁 (1982) 及びジーン (Gene)、第25巻、第263頁 (1983) 記載の方法に従い行なった結果、300ng の2本鎖c-DNA が得られた。

このc-DNA 150ng を、7 μ g のTE緩衝液 (10mM トリス-塩酸緩衝液 (pH 7.5) / 1mM EDTA) に溶解したものに、11 μ g の混液 (280mM カコジル酸ナトリウム (pH 6.8) / 60mM トリス-塩酸緩衝液 (pH 6.8) / 2mM 塩化コバルト) 及び3.8 μ g のティリング混液 (10mM ジチオスレイトール 7.5 μ g / 10mg / ml ポリ (poly) A 1 μ g / 5mM dCTP 2 μ g / 水110 μ g) を夫々添加し、更に、29ユニットのターミナルトランスフェラーゼ (ペーリンガー・マンハイム・社・製) を添加し、温度30℃で10分間反応させたのち、2.4 μ g の0.25M EDTA 及び2.4 μ g の10% (W/V) フォスホリル硫酸ナトリウムを夫々添加して反応を停止させた。

反応停止液に25 μ g の水飽和フェノールを用いて除蛋白処理を行なったのち、回収した水層に、

25 μ l の 4 M 酢酸アンモニウム及び 100 μ l の冷エタノールを夫々添加し、温度 -70°C で 15 分間放置し、12,000 r.p.m. で 10 分間遠心分離して c-DNA を回収し、10 μ l の TE 緩衝液に溶解し、c-DNA 溶解液を得た。

以上の如くしてデオキシシチジンのテイルの付いた c-DNA 100 ng を得た。

5. ベクターに使用する組み換え体プラスミド pMCE10 DNA の調製

プラスミド pMCE1403-3 DNA (特開昭61-274 683 号公報記載)、大腸菌 W3110 株 (ATCC 27325)、プラスミド pBR325 (BRL・社・製) 及びプラスミド pBR322 DNA (宝酒造・社・製) を用いてティー・マサダ等 (T. Masuda et al.) アグリカルチュラル・バイオロジカル・ケミストリー (Agricultural Biological Chemistry)、第 50 巻、第 271 ~ 279 頁 (1986) 記載の方法を用いて作製したプラスミド pKN305 DNA 夫々 1 μ g を、10 μ l の混液 (50 mM トリス・塩酸緩衝液 (pH 7.5) / 10 mM MgCl₂ / 100 mM NaCl / 1 mM ジチオスレ

イトール) に添加し、更に、これに、Hind III 及び Sal I (いずれも宝酒造・社・製、以下、同社製のものを使用) を夫々 2 ユニットずつ添加し、温度 37°C で 1 時間反応させて切断処理し、常法によるフェノール抽出及びエタノール沈澱処理を行ない沈澱物を得た。この沈澱物を、10 μ l のライゲーション緩衝液 (20 mM MgCl₂ / 66 mM トリス・塩酸緩衝液 (pH 7.6) / 1 mM ATP / 15 mM ジチオスレイトール) に溶解し、溶液を得、更に、1 ユニットの T4 DNA リガーゼ (宝酒造・社・製、以下同社製のものを使用) を添加し、温度 20°C で 4 時間連結反応を行なった。次いで、この反応液を用い、ジェイ・バクテリオロジー (J. Bacteriology、第 119 巻、第 1072 頁 ~ 第 1074 頁 (1974 年)) 記載の形質転換法により、大腸菌 JM101 (ATCC 33876) 株を形質転換し、薬剤耐性 (アンピシリン耐性及びテトラサイクリン感受性) 及び β -ガラクトシダーゼ活性を検討し、形質転換株を得、その株の含有する組み換え体プラスミド DNA を pMCE10 と命名した。この組み換え体プラスミド p

MCE10 DNA を含有する大腸菌 JM101 株を、トリプトン 1% (W/V)、酵母エキス 0.5% (W/V)、及び NaCl 0.5% (W/V) からなる培地 1 l に、該培地を用い温度 37°C で 16 ~ 24 時間前培養して得た大腸菌 JM101 (pMCE10) の培養液 20 ml を接種し、温度 37°C で 3 時間振盪培養したのち、0.2 g のクロラムフェニコールを添加し、更に同一温度で 20 時間間培養を行ない、培養液を得た。

次いで、この培養液を、常法により 1,000 r.p.m. で 10 分間遠心分離して湿潤固体 2 g を得、これを 20 ml の 25% (W/V) ショ糖を含有する 350 mM トリス・塩酸緩衝液 (pH 8.0) に懸濁したのち、更に、これに、リゾチーム 10 mg、0.25 M EDTA 溶液 (pH 8.0) 8 ml 及び 20% (W/V) デシル硫酸ナトリウム溶液 8 ml を夫々添加し、温度 60°C で 30 分間保温して溶菌し、溶菌液を得た。

この溶菌液に、5 M NaCl 溶液 13 ml を添加し、温度 4°C で 16 時間処理したものを常法により 15,000 r.p.m. で 30 分間遠心分離して抽出液を得、常法によりフェノール抽出処理及びエタノール沈澱処理

を行ない沈澱物を得た。

次いで、この沈澱物を、通常の減圧乾燥処理したものを、1 mM EDTA を含有する 10 mM トリス・塩酸緩衝液 6 ml (pH 7.5) に溶解し、更に、これに、塩化セシウム 6 g 及びエチジウムブロマイド溶液 (10 mg/ml) 0.2 ml を添加したものを、常法により 39,000 r.p.m. で 42 時間超遠心分離機を用いて平衡密度勾配遠心処理を行ない、組み換え体プラスミド pMCE10 DNA を単離し、また更に、n-ブタノールを使用してエチジウムブロマイドを除去したのち、1 mM EDTA を含有する 10 mM トリス・塩酸緩衝液 (pH 7.5) に対して透析を行ない純化された組み換え体プラスミド pMCE10 DNA 500 μ g を得た。

6. ベクター DNA の調製

以上の様にして得られた組み換え体プラスミド pMCE10 DNA 15 μ g を、90 μ l の前記 TE 緩衝液に溶解し、10 μ l の Med 緩衝液 [10 mM トリス・塩酸緩衝液 (pH 7.5) / 10 mM MgCl₂ / 1 mM ジチオスレイトール / 50 mM NaCl] を添加したのち 30 ユ

ニットの制限酵素 Acc I (宝酒造・社・製) を更に加え、温度37℃で1時間切断処理を行ない切断処理物を得た。この切断処理物に、100 μ l の水飽和フェノールを加え除蛋白操作を行なったのち、水層を回収し、これに、1/10量の3M酢酸ナトリウム(pH7.5)及び2倍量の冷エタノールを加え、温度-70℃で15分間放置したのち、12,000r.p.m.で10分間遠心分離し、DNAを回収した。

このDNAを、10 μ l のTE緩衝液に溶かし、15 μ l の混液(280mM カコジル酸ナトリウム(pH 6.8)/60mM トリス-塩酸緩衝液(pH 6.8)/2mM 塩化コバルト)を加えたのち、更に、5 μ l のティリング混液(項目4記載)(5mM dGTPを用いた)を加え、また更に、5ユニットのターミナルトランスフェラーゼ(宝酒造・社・製)を添加し、温度37℃で15分間反応させた。項目4記載のc-DNA ティリング反応と同様の後処理を行なうことにより組み換え体プラスミド pMCE10DNA の Acc I サイトにデオキシグアノシンのテイルが付いたDNAを調製した。

合成したc-DNA 15ng及びベクター-DNA 200ngを、35 μ l のアニール緩衝液(10mM トリス-塩酸緩衝液(pH7.5)/100mM NaCl/1mM EDTA)に溶解し、温度65℃で2分間、温度46℃で2時間、温度37℃で1時間及び温度20℃で18時間放置する操作によりc-DNAとベクター-DNAをアニールした。

アニールしたDNAを用いて、ハナハン(Hanahan)の方法【デー・エヌ・エイ クローニング(DNA Cloning)、第1巻、第109～135頁(1985)】により大腸菌DH1株(ATCC33849)を形質転換し、プラスミド pUC19DNA及び組み換え体プラスミド pMCE10DNAをベクターとしたc-DNAバンクを夫々作製した。

8. ルシフェラーゼc-DNAの検索

組み換え体プラスミド pMCE10DNAの Acc I 部位は、大腸菌 β -ガラクトシダーゼ遺伝子をコードする部位にあるので、この部位に組み込まれたc-DNAは β -ガラクトシダーゼとの融合蛋白質を作る。また組み換え体プラスミド pMC

一方、プラスミド pUC19DNAの Pst I サイトにデオキシグアノシンのテイルが付いたDNAの調製も同時に行なった。

プラスミド pUC19DNA (宝酒造・社・製) 30 μ g を、350 μ l のTE緩衝液に溶解したものに、40 μ l のMed緩衝液及び制限酵素 Pst I (宝酒造・社・製) 120ユニットを夫々添加し、温度37℃で1時間切断処理したのち、常法によりフェノールによる除蛋白処理及びエタノール沈澱処理によりDNAを回収した。

得られたDNAを、35 μ l のTE緩衝液に溶解したものに、50 μ l の混液[280mM カコジル酸(pH 6.8)/60mM トリス-塩酸緩衝液(pH 6.8)/1mM 塩化コバルト]、19 μ l の項目4記載のティリング混液(dGTP含有)並びに60ユニットのターミナルトランスフェラーゼ(宝酒造・社・製)を夫々添加し、温度37℃で10分間反応させたのち、常法によりフェノール処理及びエタノール沈澱を行なうことによりDNAを回収した。

7. アニール及び形質転換

E10の β -ガラクトシダーゼ遺伝子のプロモーターは前述した様に大腸菌トリプトファン遺伝子のプロモーターに変換してある。

組み換え体プラスミド pMCE10DNAを、ベクターとするc-DNAバンクのコロニー96個を10mlのM9カザミノ酸培地(モレキュラー・クローニング(Molecular Cloning)、第440～441頁、コールド・スプリング・ハーバー・ラボラトリー(Cold Spring Harbor Laboratory)(1982))にチアミン(10 μ g/ml)を加えた培地を用い温度37℃で10時間振盪培養し、常法により集菌したのち、200 μ l の SDS-PAGE用サンプル緩衝液に懸濁し、温度100℃で5分間煮沸した。

この懸濁液40 μ l を、7.5%(w/v) ポリアクリルアミドゲルを用いて、常法により電気泳動を行なった。泳動終了後、ゲルに展開した蛋白質を、ウエスタンブロット法(アナル・バイオケム。(Anal. Biochem.))、第112巻、第195頁(1981))によりニトロセルロースのフィルターに転写し、このニトロセルロースフィルターをイミューンプロ

ットアッセイキット (バイオラッド・社・製) を用いて抗ルシフェラーゼ血清で染色した。方法は、バイオラッド社の操作法に従った。

即ちニトロセルロースのフィルターを、100 ml のブロッキング溶液 [TBS 緩衝液 (20 mM トリス・塩酸緩衝液 1500 mM NaCl (pH 7.5)) に 3% (W/V) のゼラチンを溶かした溶液] 中温度 25℃ で、30 分間振盪した。次に、このニトロセルロースフィルターを 25 ml の一次抗体溶液 (ルシフェラーゼ抗血清を 1% (W/V) のゼラチンを TBS 緩衝液に溶かした溶液で 25 倍 (V/V) に希釈した溶液) に移し、温度 25℃ で 90 分間振盪したものを、100 ml の Tween (Tween) - 20 洗液 (TBS 緩衝液に 0.05% (W/V) の Tween (Tween) - 20 を溶かした溶液) 中に移し、温度 25℃ で 10 分間振盪する操作を 2 回行った。次いで、このようにして得たニトロセルロースフィルターを 60 ml の二次抗体溶液 (西洋ワサビペルオキシダーゼで標識した抗ウサギ抗体 (バイオ・ラッド社製) を 1% (W/V) のゼラチンを TBS 緩衝液に溶かした溶液で 3000 倍 (V/V) に

希釈した溶液) 中に移し、温度 25℃ で 60 分間振盪したのち、100 ml の Tween (Tween) - 20 洗液でニトロセルロースフィルターを洗う上記操作を 2 回繰り返す、このようにして得たニトロセルロースフィルターを、120 ml の発色液 (60 mM の 4-クロロ-1-ナフトロールを 20 ml の冷メタノールに溶解した溶液及び 60 μl の 30% (V/V) 過酸化水素水を 100 ml の TBS 緩衝液に添加した溶液を混合した溶液) 中に移し、温度 25℃ で 10 分間発色させた。

この様にして 96 個のコロニーを 1 グループとして 4 グループについて同様の操作を行なったところ、2 つのグループでルシフェラーゼ抗血清で染まる蛋白質バンドが認められた。次に、この 2 つのグループに属する 96 個のコロニーを 12 個のコロニーずつ 8 グループに分け同様の操作を行なったところ夫々 1 グループに抗ルシフェラーゼ血清と反応する蛋白質が認められた。最後に、このグループに含まれる 12 個のコロニーを、1 個のコロニーずつ温度 37℃ で 10 時間振盪培養し、同様の操作

を行ないルシフェラーゼ抗血清と反応する蛋白質を作るコロニーを同定した。以上の操作によりルシフェラーゼ c-DNA をもつ 2 個のコロニーが得られた。この 2 個のコロニーより項目 5 記載の方法でプラスミド DNA を調製した。得られた組み換え体プラスミド DNA は、pALf2B8 及び pALf3A6 と夫々命名した。

9. 大きなルシフェラーゼ c-DNA の検索-DNA のプロブの作製

組み換え体プラスミド pALf3A6 DNA 100 μg を、330 μl の TE 緩衝液に溶解し、これに 40 μl の Low 緩衝液 [10 mM トリス・塩酸緩衝液 (pH 7.5) / 10 mM MgCl₂ / 1 mM ジチオスレイトール]、130 ユニットの Pst I (宝酒造・社・製) 及び 120 ユニットの Sac I (ペーリンガー・マンハイム・社・製) を添加し、温度 37℃ で 1.5 時間切断した。

この DNA 全量を 0.7% (W/V) アガロースゲルを用いた電気泳動で分離した。アガロースゲル電気泳動はティエ・マニエス (T. Maniatis) 等の方法 (モレキュラー・クロニング (Molecular Cloning)、第 156 ~ 161 頁、コールド・スプリング・ハーバー・ラボラトリー (Cold Spring Harbor Laboratory) (1984)) に従って行なった。ルシフェラーゼ c-DNA を含む DNA バンドを切り出し、透析チューブに入れ、2 ml の TE 緩衝液を加えたのち、透析チューブをシールし、電気泳動により、ゲル中より緩衝液中に DNA を溶出した。この溶液に等容量の水飽和フェノールを加え、攪拌したのち、水層を回収し、常法に従いエタノール沈澱により DNA を回収した。

得られた DNA フラグメント 10 μg を、126 μl の TE 緩衝液に溶かし、16 μl の Med 緩衝液及び 64 ユニットの Sau 3A I (宝酒造・社・製) を加え、温度 37℃ で 2 時間反応させたのち、全量を 5% (W/V) ポリアクリルアミドゲルを用いた電気泳動により、DNA 断片の分離を行なった。ポリアクリルアミドゲル電気泳動は、エイ・マクサム (A. Maxam) の方法 (メソズ・イン・エンザイモロジー (Methods in Enzymology)、第 65 巻、第 506 頁 (1980)) に従って行なった。190 bp の DNA フラグメントを前

述と同様の方法で単離し、1 μ g の *Sau*3A I ルシフェラーゼ c-DNA フラグメントが得られた。

この1 μ g のルシフェラーゼ c-DNA を、(α - 32 P) dCTP (アマシヤム・社・製) を用いてニックトランスレーション法により標識した。ニックトランスレーションは空酒造社製のキットを用い、空酒造社の指示するジェイ・モル・バイオール・(J. Mol. Biol.)、第113 巻、第237 ~ 251 頁 (1977) 及びモレキュラー・クローニング (Molecular Cloning)、第109 ~ 112 頁、コールド・スプリング・ハーバー・ラボラトリー (Cold Spring Harbor Laboratory) (1982) 記載の方法に従って行なった。

10. 大きなルシフェラーゼ c-DNA の検索 - コロニーハイブリダイゼーション

前述の方法で調製した 32 P で標識したルシフェラーゼ c-DNA 断片を、プローブとして用い、組み換え体プラスミド pUC19 DNA をベクターとするフォティナス・ピラリス尾部 c-DNA バンクを、コロニーハイブリダイゼーション法 (蛋

白質・核酸・酵素、第26巻、第575~579頁 (1981) で検索し、ルシフェラーゼ c-DNA を有するコロニーを得た。そのうちの1個のコロニーの有する組み換え体プラスミド DNA を pALf3 と命名し、項目5記載の方法でプラスミド DNA を調製した。

そして、上記組み換え体プラスミド pALf3 DNA を、*Xba*I、*Hind* III、*Bam*HI、*Eco*RI 及び *Pst*I (いずれも空酒造・社・製) を用い、単一消化及び2重消化して得られたDNA断片をアガロースゲル電気泳動法により移動度パターンを分析し、得られた移動度パターンと1 DNA (空酒造・社・製) を *Hind* III により消化して得られたDNA断片の標準移動度パターンと対比することにより得られた分子量は、1,700bp であり、上記プラスミドの制限酵素地図は、第1図に示すとおりであった。

11. 組み換え体プラスミド pALf201 DNA の構築

組み換え体プラスミド pALf3 DNA 3.8 μ g

を、87 μ l の TBE 緩衝液に溶かしたものに、10 μ l の High 緩衝液 (10mM トリス-塩酸緩衝液 (pH7.5) / 10mM MgCl₂ / 1mM ジチオスレイトール / 100mM NaCl)、45ユニットの *Bam*HI 及び65ユニットの *Xba*I (いずれも空酒造・社・製) を添加し、温度37℃で2時間反応させたのち、フェノールによる除蛋白操作を行ない、更に、エタノールによる沈澱操作を行ない、DNA 沈澱を得た。

一方、2種の合成オリゴヌクレオチドである 5' GATCCAAGCTTATG 及び 3' CTAGCATAGCTTG 2' をベックマン社製 DNA 合成機を用いて合成した。

*Xba*I 及び *Bam*HI で切断した組み換え体プラスミド pALf3 DNA 0.3 μ g、上記2種の合成オリゴヌクレオチド各々1 μ g 及び T4 DNA リガーゼ1ユニット (ペーリンガー・マンハイム・社・製) を、10 μ l の混液 (66mM トリス-塩酸緩衝液 (pH7.6) / 1mM ATP / 1mM スペルミジン / 10mM MgCl₂ / 15mM ジチオスレイトール / 0.2 mg / ml 牛血清アルブミン) 中で温度4℃で18時間反応させ、DNA の結合を行なった。

得られたDNAを用いて形質転換法 (前述のコエン等の方法) により、大腸菌 HB101 株 (ATCC 33694) を形質転換した。得られた組み換え体プラスミドは、pALf101 と命名し、前述の方法で組み換え体プラスミド DNA を調製した。

組み換え体プラスミド pALf101 DNA 2 μ g を、85 μ l の TBE 緩衝液に溶かし、10 μ l の Med 緩衝液及び50ユニットの *Hind* III (空酒造・社・製) を添加し、温度37℃で2時間切断した。得られた切断物を、0.7% (w/v) アガロースゲル電気泳動により分離し、1.7 Kb のフラグメントを前述の方法を用いてゲルより溶出して溶出物を得、フェノール抽出及びエタノール沈澱処理して DNA 断片 0.4 μ g を得た。

次に、酵母アルコールデヒドロゲナーゼ由来のプロモーターベクター AAH5 DNA (ワシントン・リサーチ・ファウンデーションより入手) 2 μ g を、18 μ l の TBE 緩衝液に溶かし、2 μ l の Med 緩衝液及び10ユニットの *Hind* III (空酒造・社・製) を添加し、温度37℃で1時間切断したの

ち、常法に従ってフェノール抽出及びエタノール沈殿処理してDNAを沈殿させた。

Hind III 切断プラスミドFAAH5 DNA 75ng、組み換え体プラスミドpAL101 DNA由来の1.7 Kb DNA断片40ng及びT4 DNAリガーゼ0.5ユニット（ベリンガー・マンハイム・社・製）を10μlの緩液（65mMトリス-塩酸緩液（pH7.4）/13mM MgCl₂/65mMジチオスレイトール/1.3mM ATP）中に添加し、連結反応を行なったのち、前述のコエン等の形質転換法により大腸菌HB101(ATCC33694)株を形質転換し、アンシクリン耐性となった形質転換株を選択した。得られたアンシクリン耐性形質転換株を1%(W/V)トリプトン/0.5%(W/V)酵母エキ/0.5%(W/V)NaCl培地3ml中温度37℃で18時間振盪培養したのち、ティー・マニアテス (T.Maniatis) 等の方法（モレキュラー・クローニング (Molecular Cloning)、第366~367頁、コールド・スプリング・ハーバー・ラボラトリー (Cold Spring Harbor Laboratory) (1984)）により少量の組み換え体プ

ラスミドDNAを調製し、Hind III（宝酒造・社・製）による単独切断DNAパターン及びBamHI、EcoRI（ともに宝酒造・社・製）の二重切断DNAパターンをアガロースゲル電気泳動法を用いて分析した。以上の分析によりアルコールデヒドロゲナーゼプロモーターの下流に正しくルシフェラーゼc-DNAが組み込まれた組み換え体プラスミドDNAを選択した。

プラスミドFAAH5 DNAのアルコールデヒドロゲナーゼプロモーターに対して順方向にルシフェラーゼc-DNAが組み込まれた組み換え体プラスミドDNAをpAL101と命名し、前述の方法により組み換え体プラスミドpAL101 DNAを調製した。

12. 組み換え体プラスミドpAL101 DNAによる酵母の形質転換

組み換え体プラスミドpAL101 DNAを用い、サッカロマイセス・セレビシエ (Saccharomyces cerevisiae) SHY1株 (ATCC44769)を、ベグス (Beggs) の方法（ネイチャー (Nature)、

第275巻、第104頁(1978))により形質転換し、形質転換株、サッカロマイセス・セレビシエSHY1 (pAL101)を得た。

13. 形質転換株、サッカロマイセス・セレビシエSHY1 (pAL101)によるルシフェラーゼの生産

形質転換株、サッカロマイセス・セレビシエSHY1 (pAL101)を、YPD培地（グルコース20g/l、ポリペプトン20g/l及び酵母エキ10g/l）3mlに接種し、温度30℃で、6時間振盪培養し、得られた培養菌体を、ルシフェラーゼアッセイ用緩液 [0.1M KH₂PO₄ (pH7.8)/2mM EDTA/1mM ジチオスレイトール/0.2 mg/ml プロタミン・サルフェート] 0.3 mlに懸濁し、懸濁液を得、これに、ガラスビーズを懸濁液の1/2量となる如く添加し、ミキサー（サイエンティフィック・インダストリー・社・製）を用いて3分間破砕処理を行なったのち、1,200r.p.m.で5分間遠心分離し、上清として粗酵素液0.2mlを得た。

このようにして得られた粗酵素液中のルシフェ

ラーゼ活性の測定は、クリッカ (Kricka) 等の方法（アチーブス・オブ・バイオケミストリー・アンド・バイオフィジクス (Archives of Biochemistry and Biophysics)、第217巻、第674頁(1982))に従って生成するフォトン数を計測することにより行なった。

すなわち、250μlの25mMグリシルグリシン緩液 (pH7.8)、16μlの0.1M塩酸マグネシウム、24μlの1mMルシフェリン（シグマ・社・製）及び10μlの粗酵素液を混合したのち、100μlの20mM ATPを添加し、発生するフォトン数を20秒間積算した値を下表に示した。

なお、比較のため、発現用プラスミドFAAH5 DNAベクターを有する酵母サッカロマイセス・セレビシエSHY1株 (ATCC44769)を用いる以外は上記と同様に計測した値を下表に示した。

（本頁以下余白）

表

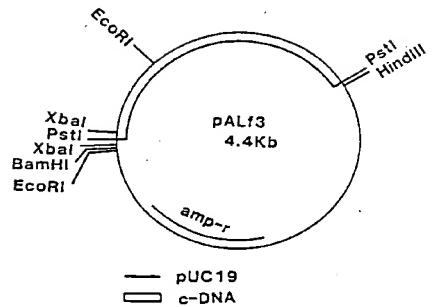
試 料	項 目	フォトン数/μl培養液
リッポマイセス・セレビシエSHY1 (pALf201) (本発明)		1.2×10^3
リッポマイセス・セレビシエSHY1 (AAB5) (対照)		5.3×10^3

上表より明らかな如く、本発明は、対照に比し、フォトン数が増加しているため、本発明の酵母菌体中にリッフェラーゼが生産されていることが判明した。

4. 図面の簡単な説明

第1図は、組み換え体プラスミド pALf3 DNAの制限酵素による切断地図を示す図である。

第1図



特許出願人 キッコーマン株式会社

代理人 弁理士 平 木 祐 輔